



2^{ème} École de bioinformatique AVIESAN – IFB – Inserm niveau 2 (2023)

Traitement avancé des données de génomique obtenues par séquençage à haut débit

5-9 juin 2023, Station Biologique, Roscoff (<http://www.sb-roscoff.fr/>)

Objectifs

La formation s'adresse à des biologistes directement impliqués dans des projets "Next Generation Sequencing" (NGS). Cette édition de l'école aborde les nouveaux enjeux technologiques: elle s'articulera autour de trois ateliers thématiques en session parallèle (bulk RNA-seq, CHIP-seq, variants DNA-seq), et abordera la visualisation et l'intégration des données.

L'école vise à approfondir les concepts, à manipuler des outils informatiques avancés et à en interpréter les résultats. Elle est basée sur une alternance de courtes sessions théoriques et d'ateliers pratiques. Les participants bénéficieront d'un tutorat personnalisé pour élaborer leur plan d'analyse, et effectuer les premières étapes de traitement de leurs propres données ou de celles de leur équipe.

Attention : le tutorat n'a pas pour vocation de réaliser l'analyse complète des données des participants.

Public visé

Cette formation est destinée aux biologistes (ingénieurs, doctorants, chercheurs, enseignants-chercheurs, praticiens...) confrontés à l'analyse de données NGS, et qui cherchent à consolider leurs connaissances en bioinformatique afin d'analyser des plans expérimentaux relativement complexes.

Environnement de travail



L'ensemble de la formation reposera sur l'utilisation de commandes en ligne (terminal **Linux**) et du langage **R**.

Prérequis

Les candidats doivent avoir acquis les compétences enseignées durant l'école de niveau 1, ou équivalent : un niveau de base en ligne de commande, R, et (au choix) bulk RNA-seq, CHIP-seq ou variants DNA-seq.

Modalités d'inscription

Date limite de pré-inscription : 28 février 2023 (sélection des participants : mars 2023). Le comité d'organisation sélectionne les 40 participants d'après les informations renseignées dans le formulaire d'inscription. Le degré de maturité du projet scientifique impliquant l'analyse de données de séquençage sera un des critères d'évaluation.

Renseignements : ecole-bioinfo@aviesan.fr

Site de l'école : <https://ifb-elixirfr.github.io/EBAI/>

Inscriptions : <https://sondages.inrae.fr/index.php/327339?lang=fr>

Compte twitter : https://twitter.com/EBAI_Roscoff

Frais d'inscription : 1000€ HT pour les académiques et EPIC; 2500€ HT pour les industriels.

L'hébergement et la restauration sont inclus.

Coordination scientifique : Erwan Corre (CNRS), Rachel Legendre (Institut Pasteur), Matthias Zytnicki (INRAE).

Formateurs et tuteurs : Une trentaine de formateurs et tuteurs provenant des organismes et universités suivants: CNRS, INRAE, Inserm, Institut Curie, Institut Pasteur, Institut Gustave Roussy, ENS, Aix-Marseille Université, Sorbonne Université, Université de Strasbourg. Avec le soutien de l'Institut Français de Bioinformatique (IFB) et d'AVIESAN (Alliance Nationale pour les Sciences de la Vie et de la Santé).

Plateformes : IFB core (Evry), ABiMS (CNRS/Sorbonne Université, Roscoff).

Coordination administrative : Aviesan ITMO GGB, Inserm, IFB.